

1880	1900 *	1920
CAGAAATTTTA TTTCGGTTTT GGGTTTTCGT GAATTTTTTTA GATAATTAATT TTAAATATTC		
1940	1960	1980
TGCATRAATTT TTCGTGTAAT TCAAAAAGGAT GTTCGAATTT TTTTTCAAAA TTGAAACGGT		
2000 *	2020	2040
TAAGAAATTTT TACTACTGCA AATTCAGAAAT AAGTGAATTT GTTTTTTAGA AGATTAAAT		
2060	2080	2100 *
AAGTTAGTAT TACGATTTTTC AGTTTGATTT GGTGGAAGT AATGTAATCTT TTGGAACAAT		
2120	2140	2160
ATTATTGAC AATAATTAAG TTTTCTAGGG AATAAACGGA AATATCTTCT TCTTTTTTGT		
2180	2200 *	2220
AAATTTCTA ATCCAAGAAC AAACAACGTT TTGGGGAGCA AATATCTTAG CTTTAGTAG		
2240	2260	2280
TCAGTGTAAAC TCACAAAATC TSGTCATAAC TTCTAGGCTG AGTTTTGCTGT GCTACAGTAG		
2300 *	2320	2340
TAAGTCTATA GAAACTTACC TGACAAAACG ACATGACGTC AGGATCGAAT CTACAACTTT		
2360	2380	2400 *
TCCTTTTTCT TCATTTAACA TATGGTTGAT TCAGTTCCG ATCTATAATA ATTATTAGG		
2420	2440	2460
ATTATCAAT TTCAATTACC TTATATCATC CTAATATRAA TATAAGTCAG TTCAATTCAG		

Figure 2D

TTTTCGAAG	2480	2500 *	2520
TTTTCCAAA		TTTTGAATTT	ATTCCTTAA ACCGAAATAG
TTATATCTTT	2540	2560	2580
CAAAATTAAG		TTTCATTTTT	CAATCGAAT TCAATTTTCA
2600 *	2620	2640	2660
CTCTCTATTA		CATAAATTC	AAATTAATTT TGAANAATTT
2680	2700 *	2720	2740
CCCTPAGTTC		AAACTATAA	ATTTTCACTT TAGAATTTAA
2760	2780	2800 *	2820
TCAAATTTAA		CCAAATGACA	CAAAATTTTCA
2840	2860	2880	2900
ATGCTAAGAG		CTTAAAAATG	GCTTCTTTTG
2920 *	2940	2960	2980
TGGAGAGAAG		AGGGAATGA	AGATTGACCA
3000 *	3020	3040	3060
TTATATAATTT		ATCTATAAT	ATACTTTGGT
3080	3100	3120	3140
TTTTTAACATT		ATACTTTTTTG	CAAGCAGTTG
		GCTGGTCTAC	CCAAGAGTGA
		TCAAAGTTTG	

Figure 2E

AGCTGCCTTC	AATGAGCCAA	TTTTTCCCA	TAATGGATAA	AGGCAATTG	TTTAGTTCAA
	3140		3160		3180
CTGCTCACAG	AATTAATGTTA	AAATGAAATT	AAATTAAGGT	GGCCTGGTCA	CACACACAAA
	3200		3220		3240
AAAAAACTAA	TGTTGGTTGG	TTGAAATTTTA	TATTACGGAA	TGTAAATATTA	TATTTTAAAA
	3260		3280		3300
TAAAAATTAG	TTATTAGAT	TCTTAATATT	TTGGAGCAAT	CCATACTATA	ATTTCGTAAC
	3320		3340		3360
ATAATATTAA	AATNACTAA	TATAAAGTGT	AATTAACTTT	AAATTACAAG	CATAATATTA
	3380		3400		3420
AATTTTGAAT	CAATTAATTT	TTATTTCTAT	TATTTTAATT	AATTTAGTCT	ATTTTTCAAA
	3440		3460		3480
AATATAAATTT	AAATCTAAAT	AAAAATAATT	TTTCTTTAAT	GTTCGAAACAA	CTCAGTTTAT
	3500		3520		3540
ACTTCAAAAT	TATAAGTATT	ATATTTACCT	TGATGATTTA	TTTATATAGTA	TATTAATTCCT
	3560		3580		3600
GATTTAATTT	ATGCTGGAT	ACAATCGCTT	TCCACTAAT	ATTTTACTA	TGATTTATAA
	3620		3640		3660
ATTTATTCCA	ACATCGTATA	TTTACTTAAT	AATACATAT	TTATCATAT	TTTATGGAAA
	3680		3700		3720

Figure 2F

TTGAGACCAA GAACATTAA GAGACAAAT TCTATACAA AGACAATTTA GAAAAAATG
 3740 3760 3780
 TACTTTTAGG TAAATTTAAG TACTCTTAAC CAACACAAA AATTCAAATC AAATGAACCTA
 3800 3820 3840
 AATAGATATA TATACATAC GGAACATCTT ACTTGTAATC TTACATTCCTC ATAAATTTAT
 3860 3880 3900
 TATGAAAAAT AATCTTATAT TACTCGAACT AAATGTTGTC ACAAATTTAT ATCTAAATPA
 3920 3940 3960
 AGAAAAACAC TTAATTTTAA TACATTTTTT TCATATATTT GAAGATTTAT ATTTGTATTA
 3980 4000 4020
 TTTACGTAAG AATATTTGAC ATAGATTTAG CACCTTCTTA ACATAATCCC ACCATAAGTC
 4040 4060 4080
 AAGTATGTAG ATGAGAAATT GGTACAAACA ACGTGGGGCC AAATCCACCC AAACCATCTC
 4100 4120
 TCATTCCTC CTATAAAAAGG CTTCCTACAC ATGACAAACA ATCCACACA C AAA TAC
 <Phe Val
 4140 4160 4180
 ACG TTC TTT TCT TTC TAT TTG ATT AAC CAT GGC TCA TAG CAT TCG TCA
 <Arg Glu Lys Arg Glu Ile Gln Asn Val Met Ala *** Leu Met Arg ***
 4200 4220
 CCC TTT CTT CCT TTT CCA ACT TTT ACT CAT AAG TGT CTC ACT AGT GAC
 <Gly Lys Lys Arg Lys Trp Ser Lys Ser Met Leu Thr Glu Ser Thr Val

Figure 2G

4240 CCG TAG CCA CAC TGT TTC GGC AGC GGC TCG ACG TTT ATT CCA GAC ACA 4260
 <Pro Leu Trp Val Thr Glu Ala Ala Arg Arg Lys Asn Ser Val Cys 4280
 4300 * 4320
 AGC AAC CTC ATC AGA GCT CCC ACA ATT GGC TTC AAA ATA CGA AAG CAC
 <Ala Val Glu Asp Ser Ser Gly Cys Asn Ala Glu Phe Tyr Ser Leu Val
 4340 4360
 GAG AGT CTG AAT ACG AAA AGC CAG AAT ACA AAC AGC CAA AGT ATC ACG
 <Leu Thr Gln Ile Arg Phe Ala Leu Ile Cys Val Ala Leu Thr Asp Arg
 4380 4400 * 4420
 AAG AGT ACT CAA AAC TTG AGA AGC CTG AAA TGC AAA AGG AGG AAA AAC
 <Leu Thr Ser Leu Val Gln Ser Ala Gln Phe Ala Phe Pro Phe Val
 4440 4460
 AAA AAC CCT GCA AAC AGC ATG AAG AGT ACC ACG AGT CAC ACG AAT CAA
 <Phe Val Arg Cys Val Ala His Leu Thr Gly Arg Thr Val Arg Ile Leu
 4480 4500 * 4520
 AGG AGC AAA AAG AGT ACG AGA AAG AAA ATC TCGACGAA TTCCTCCGGG
 <Pro Ala Phe Leu Thr Arg Ser Leu Phe Asp
 4540 4560 4580
 CGTCGACGGC TAGCGAGAT CTTCCGGCCC GTCCAGCCTT GAATCATATG ACACGTGTGC
 4600 * 4620 4640
 ATGTGCCATC ATCATGCAGT AATTTCATGG TATATCGTAA TATATAGTTA ATAAAAAGA
 4660 4680 4700 *
 TGGTGATTGG GAAATGTGTG TGTGCATTC TCATGCACT AATGTGAAT CTCCTTGCAT

Figure 2H

ATCTAAAAAT	TTATTTAACC	TATTAATAAA	TTCTTAATTA	TCCTATCTAA	TTTAAAACTC
	5320		5340		5360
	5380		5400	*	5420
TAATTAACCT	AATTTAATTT	AAATTTCTTAA	TTATCTTAAT	TTGTAAOCTC	CTCCACCCAG
	5440		5460		5480
CTAGATGCTG	GACCCGAATC	CGGGAGATTG	CATCGGCCAT	TGAGATGGCG	TGATCAGGGT
	5500		5520		5540
			*		
TTGGCGGCGC	GGTACCCAAT	TGCGCTTATA	GTGAGTTTGT	ATTACGGGCG	CTCACTGCGT
CCGGTTT					

Figure 2J

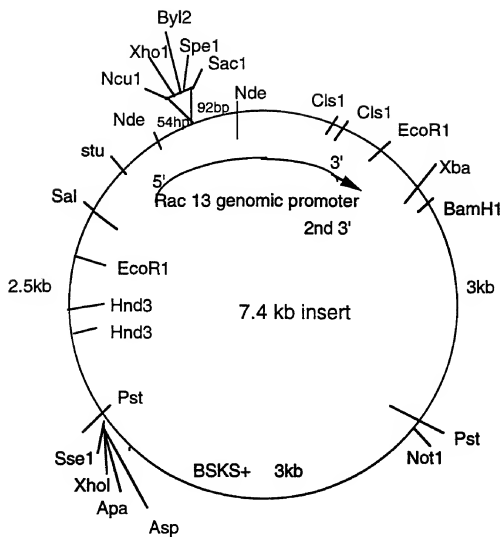


FIGURE 6

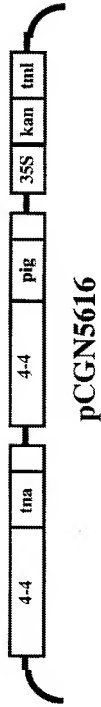
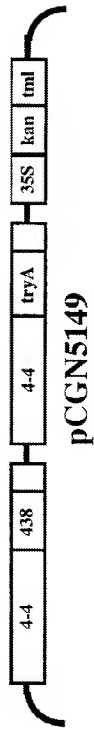


FIGURE 8